



1/3

SEQUENCE LISTING

<110> Li-Sucholeiki, Xiao-Cheng

<120> Methods for Detecting Rare Polymorphic
Variants in Genomic DNA Sequences

<130> 0050.2018-001

<140> US 09/965,662

<141> 2001-09-27

<150> US 60/235,601

<151> 2000-09-27

<160> 10

<170> FastSEQ for Windows Version 4.0

<210> 1

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> probe

<400> 1

caaaactgac agcacagaat ccagtgggaac

30

<210> 2

<211> 30

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> probe

<400> 2

aagacccaga atggcgctta ggactttggg

30

<210> 3

<211> 20

<212> DNA

<213> Artificial Sequence

<220>

<223> primer

<221> modified_base

<222> (1)...(1)

<223> 5'-FITC

<400> 3

gaataacaac acaaagaagc

20

<210> 4

<211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 4
 aacaaaaacc ctctaacaag 20

<210> 5
 <211> 123
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 5
 atmtrtttaa aadadakkaa daatdaaamt aaaaaatth tatgttaatt acaaytgyta 60
 tataracatt ttgtttcaaa tgaaayttta aaadactgaa aaattttgta artardtttg 120
 att 123

<210> 6
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<221> modified_base
 <222> (18)...(18)
 <223> Fluorescein

<400> 6
 ccattctcaga tcccaactcc 20

<210> 7
 <211> 36
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 7
 aacaaaaacc ctctaacaag aatcaaactt acttac 36

<210> 8
 <211> 20
 <212> DNA
 <213> Artificial Sequence

<220>
 <223> primer

<400> 8
 tataatctag aatgattga 20

<210> 9
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 9
accgttaact tccaattaac

20

<210> 10
<211> 20
<212> DNA
<213> Artificial Sequence

<220>
<223> primer

<400> 10
gcggg'gcgag ggaaagaggt

20

ab
on